

МОЛЕКУЛЯРНАЯ ДИАГНОСТИКА – НОВОЕ УНИВЕРСАЛЬНОЕ НАПРАВЛЕНИЕ В ИЗУЧЕНИИ ЭПИДЕМИОЛОГИИ ВИЧ-ИНФЕКЦИИ

М. Сапарбеков¹, Н. Дзисюк², Г. Тажиева².

¹ *Кафедра эпидемиологии и гигиены Медицинского факультета – ВШОЗ, Казахского Национального Университета им. аль-Фараби (Алматы, Казахстан)*

² *Республиканский центр по профилактике и борьбе со СПИД² (Алматы, Казахстан)*
murat.saparbekov@kaznu.kz

Введение. Известно, что молекулярная эпидемиология возбудителей инфекционных заболеваний – новое стремительно развивающееся направление фундаментальной медицины, в задачи которой входит изучение молекулярных основ эпидемического процесса, закономерности развития эволюции патогенных микроорганизмов. Увеличение распространенности заболеваний, возбудители которых передаются парентеральным путем, на фоне развивающейся инъекционной наркомании сделало борьбу с этими инфекциями одной из ведущих задач современной эпидемиологии. Вирус иммунодефицита человека (ВИЧ) – наиболее опасный инфекционный агент этой группы – тяжелого заболевания иммунной системы человека, неизбежно приводящего к летальному исходу. Эффективное противодействие эпидемии ВИЧ-инфекции в Казахстане включает в себя определение ведущих путей распространения и изучения генетических вариантов вируса ВИЧ, активно циркулирующих на территории республики.

Целью исследования является исследование гена *pol*, образцов ВИЧ, собранных в Казахстане в различные годы.

Материалы и методы. В течение 5 лет на базе референс-лаборатории Республиканского центра по профилактике и борьбе со СПИД был осуществлен сбор образцов крови от ВИЧ-инфицированных пациентов, принадлежащих к разным группам риска и проживающих в различных регионах Казахстана. Всего было собрано, молекулярно - генетически обследовано и проанализировано 205 образцов ВИЧ – 1.

Результаты. Проведенной молекулярно-генетический анализ гена *pol* в исследуемых образцах установил доминирование в г. Алматы и активной циркуляции в Восточно-Казахстанской области рекомбинантного варианта CRF02_AG, при этом на основной территории Казахстана продолжает доминировать вариант IDU – A. Зафиксирована низкая распространенность в исследованной группе ВИЧ-инфицированных мутаций лекарственной устойчивости к антиретровирусным препаратам.

Вывод. Изучение генетических свойства вируса ВИЧ – 1, циркулирующего на территории Казахстана чрезвычайно необходимо для выявления закономерностей развития эпидемии, совершенствования эпидемиологического надзора и диагностики ВИЧ – инфекции.